

<<生物信息学实践基础教程>>

图书基本信息

书名：<<生物信息学实践基础教程>>

13位ISBN编号：9787564302856

10位ISBN编号：7564302852

出版时间：2009-6

出版时间：西南交大

作者：王万军//茆灿泉

页数：240

版权说明：本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问：<http://www.tushu007.com>

<<生物信息学实践基础教程>>

内容概要

本书从初学者及应用的角度对生物信息学分析所涉及的几个方面进行了介绍，提供了一些重要的常用软件的基本性能、获取方法和简单的使用步骤，力图通过最简单直观的方式使初学者能在最短的时间内了解生物信息学软件的基本功能，而不着眼于对软件功能以及所涉及算法的全面介绍。

全书共分为四章，从计算机基础知识入手，以核酸和蛋白质序列分析为重点，由浅入深地介绍涉及核酸与蛋白质序列分析与研究的各个方面。

本书是在西南交通大学实验室及设备管理处“323基础实验教学平台”建设项目的资助下，由生命科学与工程学院生物系生物信息学专业部分师生集体编著，面向生物信息学软件的初学者，是一本实用性极强的操作指南。

本书内容新颖、语言流畅、图文并茂、篇幅适当，操作实例具体而典型，可作为生命科学各专业本科生、研究生实验教材，也可供其他专业师生和科研人员以及广大生物信息学入门和提高了的读者参考使用。

<<生物信息学实践基础教程>>

书籍目录

第一章 计算机应用基础 第一节 Word的使用 第二节 Excel的使用 第三节 Foxmail的使用与设置
第四节 Linux操作系统简介 第五节 数据库的设计、制作和应用第二章 分子生物学基础 第一节
序列格式转换 第二节 序列分析——BioEdit 第三节 序列分析——cLc Free Workbench 第四节 序列分
析——Accelrys Gene 第五节 引物设计——Prilner Premier 第六节 DNA序列的多态性分析 第七节
凝胶电泳图像分析第三章 生物信息学软件 第一节 多序列比对——Clustal X 第二节 进化分析
第三节 蛋白质分析 第四节 蛋白质生物信息分析的基本技术与方法 第五节 蛋白质结构显示
第六节 三维结构比较 第七节 系统发育树的显示与打印第四章 生物信息学网络资源 第一节
生物信息学数据库 第二节 GCG Wisconsin软件包 第三节 文本数据挖掘分析

章节摘录

第一章 计算机应用基础 第二节 Excel的使用 Excel是以二维表格作为基本的操作界面提供给用户,用户通过在表格中输入数据,由程序自动完成诸如计算等功能,同时电子表格还具有数据库处理功能。

因此,电子表格被广泛应用于统计分析、财务分析、经济、行政等各个领域。

一、Excel的一些基本概念和操作 1.Excel的基本概念 (1)工作簿:Excel所处理的文档称为工作簿,它是一个运算和存储数据的文件,可以在一个工作簿中管理各种类型的相关信息。Excel文件的后缀为“.xls”。

(2)工作表:可以把Excel的工作簿理解为一个账本,账本中的一页在Excel中称为一个工作表。Excel 2003的工作表是由65 536行x256列组成的巨型表格。

工作表用来列出数据和分析数据,表中可以存放图表、对话框、程序等。

一个工作簿可以包括多个工作表,Excel 2003默认为每个工作簿打开3个工作表,每个工作表有一个名字,称为工作表标签,系统把它们记为sheet1, sheet2, ...在一个工作簿中最多可以建立255个工作表。

(3)单元格:工作表中的每一个表格称为单元格,它是组成工作表的最小单位。用户输入的任何数据都是存放在单元格中的,这些数据可以是数字、公式、文字、图形、声音等。

(4)单元格地址:为了确定单元格的位置,给表格的行和列建立了坐标,列坐标从左至右标记为A, B, C, ..., 共256列,行坐标从上至下标记为1, 2, 3, ..., 共65 536行。

单元格的坐标称为单元格地址,如A4。

有时为了区分不同工作表中的单元格,可在地址前加上工作表名称,如sheet1!A8。

.....

<<生物信息学实践基础教程>>

版权说明

本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问:<http://www.tushu007.com>