

<<后基因组信息学>>

图书基本信息

书名：<<后基因组信息学>>

13位ISBN编号：9787302053507

10位ISBN编号：7302053502

出版时间：2002

出版时间：清华大学出版社

作者：Minoru Kanehisa

页数：161

字数：163000

译者：孙之荣 等

版权说明：本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问：<http://www.tushu007.com>

<<后基因组信息学>>

内容概要

许多模式生物的基本组序列和基因目录已经完成，不久以后将会完成更多。

基因组计划现在已进入了一个高速收获的时期。

不仅如此，新的DNA和蛋白质芯片技术能以很快的速度产生功能数据，如基因表达谱。

因此，存在大量的而且一直在增长的关于基因和许多分子的数据。

但是，分子水平的信息和整个生物系统水平上的信息之间仍然存在鸿沟。

《后基因组信息学》中详尽地论述了这条鸿沟。

后基因组信息学是以多种分子和基因相互作用网络的方法来进行生物功能的分析，目标是理解生物系统如何从单个构造模块的基础上组织起来。

《后基因组信息学》纵览了与分子序列分析相关的数据库和计算技术，在分子网络的计算和表示方法上，为读者提供了概念上的框架和实际的方法。

与国外同类书相比，本书在后基因组时代具有前沿的先进性，具有推动后基因组时代的重大科学意义。

随着迅速发展的生物信息学的进步，它将是一本少有的记录其发展的专著。

读者对象：综合性大学、医学院校、农林院校生物专业本科生、研究生以及科学院、医学科学院等相关的科研工作者。

<<后基因组信息学>>

书籍目录

- 1 生命的蓝图
 - 2 分子生物学数据库
 - 3 核酸和蛋白质的序列分析
 - 4 分子相互作用的网络分析
- 附录 计算分子生物学方法——参考书目

版权说明

本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问:<http://www.tushu007.com>