

<<生物信息学概论>>

图书基本信息

书名：<<生物信息学概论>>

13位ISBN编号：9787301054680

10位ISBN编号：7301054688

出版时间：2002-4

出版时间：北京大学出版社发行部

作者：T K ATTWOOD

页数：280

字数：280000

版权说明：本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问：<http://www.tushu007.com>

<<生物信息学概论>>

内容概要

本书从生物信息学的研究对象、意义出发，介绍生物信息学研究的基本方法和常用工具：绪论中概要介绍了全书的主要内容：第1章介绍生物信息学的一些基本概念；第2章介绍互联网上大量的生物信息资源；第3-5章介绍蛋白质和核酸序列和结构数据库；第6-8章介绍序列比对和数据库搜索的常用方法；第9章有一个实例说明这些方法和资源的使用；第10章介绍常用的软件和工具。

本书深入浅出，常用性强，可以作为高等院校生物信息学教材，也可作为生命科学和生物技术各领域分子生物学研究和开发工作者生物信息学参考书。

<<生物信息学概论>>

书籍目录

献辞致谢原序绪论第1章 概论 1.1 本章简介 1.2 序列测定 1.3 什么是生物信息学 1.4 序列和结构 1.5 基因组计划 1.6 人类基因组计划现状 1.7 生物信息学的重要性 1.8 模式识别和结构功能预测 1.9 蛋白质折叠问题 1.10 分子伴侣 1.11 序列分析 1.12 同源性和相似性 1.13 生物信息学研究中的挑战性问题 1.14 本章小结 1.15 进一步阅读指南第2章 信息网络 2.1 本章简介 2.2 因特网 2.3 IP地址 2.4 因特网上的实用工具 2.5 万维网 2.6 网络浏览器 2.7 HTTP, HTML和URL 2.8 欧洲分子生物学网络组织 2.9 美国国家生物技术信息中心-NCBI 2.10 网络导游 2.11 本章小结 2.12 进一步阅读指南 2.13 有关网址第3章 蛋白质数据库 3.1 本章简介 3.2 生物信息数据库 3.3 序列数据库 3.4 蛋白质序列复合数据库 3.5 蛋白质序列二次数据库 3.6 蛋白质序列模式复合数据库 3.7 结构分类数据库 3.8 本章小结 3.9 进一步阅读指南 3.10 有关网址第4章 基因组信息资源第5章 DNA序列分析第6章 双序列比对第7章 多序列比对第8章 二次数据搜索第9章 数据库搜索实例第10章 序列分析软件包中译版参考书目词汇表(汉英部分) 词汇表(英汉部分) 译后记

<<生物信息学概论>>

版权说明

本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问:<http://www.tushu007.com>