

<<中国鸡群病毒性肿瘤病及防>>

图书基本信息

书名：<<中国鸡群病毒性肿瘤病及防控研究>>

13位ISBN编号：9787109173118

10位ISBN编号：7109173119

出版时间：2013-1

出版时间：中国农业出版社

作者：崔治中

版权说明：本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问：<http://www.tushu007.com>

<<中国鸡群病毒性肿瘤病及防>>

内容概要

《中国鸡群病毒性肿瘤病及防控研究》内容包括：鸡群病毒性肿瘤病概述；鸡群病毒性肿瘤病的多样性；鸡群肿瘤性病毒的多样性；肿瘤形态及器官组织分布多样性；肿瘤细胞类型和形态的多样性；肿瘤发生过程的多样性；鸡是研究病毒性肿瘤病理发生的良好实验模型等。

<<中国鸡群病毒性肿瘤病及防>>

书籍目录

序 前言 第一章鸡群病毒性肿瘤病概述 第一节鸡群病毒性肿瘤病的多样性 一、鸡群肿瘤性病毒的多样性 二、肿瘤形态及器官组织分布多样性 三、肿瘤细胞类型和形态的多样性 四、肿瘤发生过程的多样性 第二节鸡是研究病毒性肿瘤病理发生的良好实验模型 第三节我国鸡群病毒性肿瘤病高发的流行病学因素 一、对进口种鸡ALV检疫监控不完善、不严格 二、种鸡场管理不规范,不同类型不同来源种鸡混养现象普遍 三、在改良品种过程中,盲目地引进未经检疫的种鸡 四、我国有的地方从来没有对ALV采取过检测和净化措施 五、弱毒疫苗污染REV和外源性ALV 第二章我国鸡群白血病的流行及发病特点 第一节我国鸡群中禽白血病病毒感染的普遍性 一、我国鸡群中ALV感染发生发展的历史动态 二、我国白羽肉用型鸡中ALV感染的来源、发生的历史和现状 三、我国蛋用型鸡群中ALV感染的来源、发生的历史和现状 四、我国自繁自养的地方品系鸡群中ALV感染的来源、发生的历史和现状 第二节我国鸡群中ALV的多样性 一、我国鸡群ALV亚群多样性的血清流行病学调查 二、我国鸡群中分离到的ALV的亚群多样性 第三节我国鸡群白血病病理变化的多样性 一、我国鸡群ALV_J诱发的肿瘤的多样性及特点 二、A亚群ALV诱发的纤维肉瘤 三、B亚群ALV诱发的淋巴细胞瘤 第四节我国鸡群出现了新的急性致肿瘤性ALV 一、青年鸡体表纤维肉瘤及其人工造病试验 二、成年产蛋鸡肠系膜纤维肉瘤及其人工造病试验 三、急性致肿瘤ALV及其肿瘤基因的鉴定 第五节不同品种鸡遗传背景对不同ALV毒株易感性的影响 一、经胚卵黄囊接种不同毒株ALV的不同品种鸡的肿瘤发生率 二、经胚卵黄囊接种不同毒株ALV后对不同品种鸡生长的影响 三、经胚卵黄囊接种不同毒株ALV后对不同品种鸡的免疫抑制比较 四、不同品种鸡经胚卵黄囊接种不同毒株ALV后病毒血症动态比较 五、不同品种鸡经胚卵黄囊接种不同毒株ALV后抗体反应动态比较 六、不同品种鸡经胚卵黄囊接种不同毒株ALV后泄殖腔棉拭子p27 检出率动态 第六节我国鸡群中ALV分子流行病学特点 一、囊膜蛋白gp85的多样性及其变异趋势 二、中国鸡群不同鸡群ALV囊膜蛋白gp37的同源性比较 三、中国鸡群中ALV的gag基因同源性比较 四、中国鸡群中ALV的pol基因同源性比较 五、中国鸡群中ALV基因组3'末端序列的多样性及其演变 第七节不同亚群ALV之间及其他病毒的共感染 一、不同亚群ALV之间的共感染 二、ALV—J与_{REV}的共感染 三、ALV—J与MDV的共感染 第三章我国鸡群马立克氏病的流行及发病特点 第一节我国鸡群中马立克氏病流行的表现和特点 一、不同地区不同鸡群发病率的不均一性 二、我国白羽商品代肉鸡中的MDV感染 三、与其他病毒共感染的普遍性 四、MDV疫苗中的外源病毒污染与免疫失败的相关性 第二节马立克氏病病毒中国流行株的致病性比较 一、MDV中国流行株的致病型分布 二、中国流行毒GX0101株MDV与不同致病型国际参考株的致病性比较 三、中国流行毒GX0101株MDV和超强毒国际参考株诱发的病理剖检变化比较 四、中国流行毒GX0101株和超强毒国际参考株诱发的病理组织学变化比较 第三节我国鸡群MDV流行株的演化及其基因组比较 一、MDV中国流行株GX0101的基因组特点 二、中国流行株与国际参考株在MDV的几个主要基因上的同源性比较 三、MDV中国流行株gE基因上的地域性遗传标志 四、MDV的中国流行毒株在细胞培养上形成病毒蚀斑的速度和形态比较 五、中国鸡群中出现了带有REV基因组的重组野毒株MDV 第四节我国不同地方品种鸡对马立克氏病的易感性比较 第四章我国鸡群禽网状内皮增生病毒病的流行病学和发病特点 第一节我国鸡群中禽网状内皮增生病毒病流行特点 一、血清调查表明,我国鸡群REV感染越来越普遍 二、病原学调查表明,REV感染多表现为与其他病毒的共感染 三、疫苗污染是我国鸡群中REV广泛传播的主要原因 四、鸭群REV感染状态及其对鸡群的影响 第二节我国鸡群中REV的传播途径 一、横向传播 二、垂直传播 三、传播媒介传播 四、我国鸡群中已出现可作为传播媒介的带有REV全基因组的重组禽痘病毒 第三节鸡群禽网状内皮增生病毒病感染后的发病特点 一、免疫抑制是早期感染REV的主要临床病理表现 二、自然典型肿瘤病例较少且易被其他肿瘤病掩盖 三、在人工接种试验中REV对雏鸡的致病作用 四、鸡对REV的抵抗力随日龄增长显著增强 五、母源抗体有效预防雏鸡感染REV 六、我国鸡群中REV感染与发病相关性分析 第四节我国鸡群中禽网状内皮增生病毒病的变异性 一、我国鸡群REV分离株基因组比较 二、REV中国鸡源代表株与其他来源参考株的致病性比较 第五节鸡源REV中国代表株HA9901的全基因组分析 一、HA9901株前病毒cDNA基因组序列及其结果 二、HA9901株与其他株REV的各段基因同源性比较 第五章 中国鸡群中三种肿瘤性病毒的共感染及其相互作用 第一节我国鸡群中不同肿瘤性病毒共感染的流行病学调查 一、MDV与REV的共感染 二、ALV与REV的共感染 三、MDV与ALV的共感染 四、鸡群中三种肿瘤性病

<<中国鸡群病毒性肿瘤病及防>>

毒的共感染 五、肿瘤性病毒与其他病毒的共感染 第二节不同病毒共感染的相互作用 一、REV和ALV—J共感染相互之间对病毒血症和抗体反应的影响 二、REV与ALV—J共感染时在致病性上的相互作用 三、MDV和REV共感染时相互之间对抗体反应和病毒血症的影响 四、肿瘤性病毒与其他病毒共感染对鸡致病性的相互作用 第三节不同肿瘤病毒感染鸡诱发的混合性肿瘤 一、MDV与REV诱发的混合型肿瘤 二、ALV和REV诱发的混合性肿瘤 第四节我国鸡群中MDV与REV共感染产生的重组病毒 第六章鸡的不同病毒性肿瘤病的鉴别诊断 第一节我国鸡群肿瘤病鉴别诊断的挑战性 一、多重感染带给病毒性肿瘤病鉴别诊断的挑战 二、我国鸡群中肿瘤表现的多样性 三、个体鉴别诊断和群体鉴别诊断 四、鸡群病毒性肿瘤病的鉴别诊断 第二节血清抗体检测在诊断上的应用 一、ALV血清抗体检测的方法及诊断意义 二、MDV血清抗体检测的方法和诊断意义 三、REV血清抗体检测的方法及诊断意义 第三节病原学检测技术在肿瘤病诊断上的应用及其研发 一、病原学检测技术在禽白血病鉴别诊断上的应用和研发 二、病原学检测技术在马立克氏病鉴别诊断上的应用和研发 三、病原学检测技术在网状内皮增生性肿瘤病鉴别诊断上的应用和研发 第四节病理学观察比较的诊断意义 一、三种病毒性肿瘤病的剖检病理病变比较 二、三种病毒性肿瘤的病理组织学比较 三、不同病毒诱发的混合性肿瘤 附件1禽白血病诊断技术(GB/T 26436—2010) 附件2禽网状内皮增生性肿瘤病诊断技术(NY/T 1247—2006) 附件3鸡致病性外源性禽白血病病毒特异性核酸探针斑点杂交检测试剂盒 附件4禽网状内皮增生性肿瘤病毒pol基因地高辛标记的核酸探针检测试剂盒 第七章我国鸡群病毒肿瘤病的防控策略 第一节我国鸡群马立克氏病防控的综合措施 一、免疫失败原因分析 二、严格预防生产和使用有外源病毒污染的MDV疫苗和其他弱毒疫苗 三、保证雏鸡阶段正常的免疫功能 四、继续改进MDV疫苗 五、生物安全 第二节我国鸡群禽白血病的防控净化策略 一、选择净化的种源及净化原种群 二、原种鸡场的核心群外源性白血病病毒的净化 三、严格预防使用被外源性ALV污染的弱毒疫苗 四、鸡舍的环境控制 五、抗病毒药物的预防控制作用 六、疫苗免疫的预防作用 第三节鸡群禽网状内皮增生性肿瘤的预防控制 一、避免使用污染REV的弱毒疫苗 二、预防带有REV全基因组的重组鸡痘病毒野毒株的流行 三、控制鸡舍蚊子等昆虫的传播 四、种鸡群净化及种鸡疫苗免疫 第八章我国鸡群病毒性肿瘤病研究展望 第一节继续跟踪我国鸡群中肿瘤性病毒感染的流行趋势 一、我国鸡群禽白血病病毒的演变趋势 二、鸡群马立克氏病病毒感染的变异趋势 三、鸡群禽网状内皮增生性肿瘤病毒变异趋势 第二节继续追踪我国鸡群中MDV与REV或ALV间的基因重组 第三节我国鸡群病毒性肿瘤病防控相关的技术和产品的开发研究 一、新的诊断方法和诊断试剂 二、以弱毒MDV为载体的新型疫苗的研究 三、不断完善鸡群对病毒性肿瘤病的综合性防控技术 第四节MDV基因组及基因功能的进一步深入研究 一、与MDV的严格细胞结合性相关的基因 二、meq肿瘤基因的生物学活性 三、MDV特有的pp38基因的生物学功能 第五节与病毒致肿瘤相关的科学问题 一、鸡群容易发生多种多样的病毒性肿瘤的原因 二、急性致肿瘤性ALV发生及致病的生物学机制 第九章结语 一、我国鸡群病毒性肿瘤病的普遍性和长期性 二、共感染是我国鸡群中病毒性肿瘤病的流行和发病特点 三、我国鸡群中肿瘤性病毒的变异 四、适于我国鸡群病毒性肿瘤病的检测试剂和诊断方法 五、我国鸡群病毒性肿瘤病的预防控制 附与本书相关的已公开或发表的资料和论文

<<中国鸡群病毒性肿瘤病及防>>

章节摘录

版权页：插图：但正如上面所述，现有的血清抗体检测试剂盒只能将经典A、B（或包括C、D亚群）与J亚群区别开来。

因此，血清学调查的结果只是给我们描述我国ALV感染多样性的一个粗放状态，还不能准确涉及ALV的亚群多样性。

二、我国鸡群中分离到的ALV的亚群多样性 长期以来，ALV是鸡群中普遍存在着的病毒。

由于我国从来没有采取过对ALV的净化措施，我国各种地方品种鸡群中一直存在ALV感染也是很自然的。

此外，在1987年各国大型商业化家禽育种公司宣布在主要商业化运作的种鸡中已实现了外源性ALV感染净化以前，我国引进的各种类型的不同品种种鸡中已带入了一些经典亚群的外源性ALV，如ALV—A或ALV—B。

20世纪80年代末期，在英国白羽肉鸡中新出现的J亚群ALV（ALV—J）逐渐蔓延至全球，几乎所有白羽肉用型鸡群都被感染了。

不容置疑，ALV—J也随引进的种鸡被带进了我国鸡群。

由于ALV可以垂直传播，虽然早在20世纪80年代我们实验室及其他实验室就有我国鸡群ALV感染的研究报道（崔治中等，1984），但只是血清学检测结果。

由于技术的限制，在1998年前我国一直没有分离鉴定ALV的成功研究和报道。

对ALV的亚群分类，主要根据其囊膜蛋白gp85，如在第一章中已叙述了，该蛋白位于病毒表面，与病毒的抗原性、病毒中和反应及对宿主细胞的亲嗜性和识别密切相关。

但是，ALV基因组上的非编码区的LTR特别是其U3区也有很大变异。

由于U3区片段中带有多个与基因表达和病毒复制密切相关的调控序列，它们很可能与病毒的致病性、致肿瘤性、复制能力等多种生物学活性相关。

相对来说，不同亚群ALV的其他基因比较保守和稳定。

如前所述，ALV的亚群与囊膜蛋白gp85相关。

根据分离株的gp85的同源性比较，我国鸡群中流行的ALV已显示出亚群的多样性。

在2008—2010年实施“鸡白血病专项”过程中，山东农业大学、中国农业大学、扬州大学、华南农业大学、广西大学、中国动物疫病预防与控制中心等课题组共分离到119株ALV，对其中97株env基因进行扩增和测序，env基因序列同源性比较表明，在97株确定亚群的ALV中大部分为J亚群，占83株，其余是A亚群8株，8亚群3株，C亚群1株，E亚群1株，3株未能确定亚群。

（一）J亚群ALV是我国鸡群中最早分离鉴定到也是最主要的流行亚群 虽然其他亚群ALV早就存在于我国鸡群中，但自从ALV—J随引进的白羽肉鸡传入我国后，近二十年来J亚群ALV一直是引发我国各种类型鸡群白血病的主要亚群。

<<中国鸡群病毒性肿瘤病及防>>

编辑推荐

《中国鸡群病毒性肿瘤病及防控研究》由中国农业出版社出版。

<<中国鸡群病毒性肿瘤病及防>>

版权说明

本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问:<http://www.tushu007.com>