

<<生物信息学方法指南>>

图书基本信息

书名：<<生物信息学方法指南>>

13位ISBN编号：9787030144652

10位ISBN编号：7030144651

出版时间：2005-1

出版时间：科学出版社

作者：欧阳红生/阮承迈/李慎涛等

页数：408

字数：517000

版权说明：本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问：<http://www.tushu007.com>

<<生物信息学方法指南>>

内容概要

计算机在分析物理学日益增长的海量数据方面起到了不可估量的作用，并推进了现代生物学的快速发展。

本书详细介绍了一些重要生物学软件和数据库的使用，同时提供了一些实用的技巧和最新研究进展。全书分为五部分，包括序列分析软件包、分子生物学软件、网络信息资源、计算机和分子生物学的关系、生物信息学教学与最新文献跟踪。

内容全面，实用性较强，可帮助生物信息学人员对该学科有更深入地了解。

本书可作为大专院校、科研机构的分子生物学、生物信息学等相关专业的研究生、科研和教学人员的参考书。

<<生物信息学方法指南>>

书籍目录

前言编写成员第一部分 序列分析软件包 1 GCG：序列分析程序威斯康星软件包 2 GCG序列分析程序基于网页的界面 3 Omega：一种基于PC机的序列分析工具 4 Mac vector:macintosh计算机集成序列分析软件 5 DNASTAR的Lasergene序列分析软件 6 PeptoolTM和Gene tool TM：非平台依赖性的生物序列分析工具 7 Staden 软件包，1998 8 利用免费软件建立多用户序列分析系统第二部分 分子生物学软件 9 Macintosh和Ms windows计算机分子生物学方面的免费软件 10 用FASTA3程序软件包进行灵不知的序列相似性搜索 11 采用CLUSTALW和CLUSTALX进行多序列比对 12 用PHYLIP进行系统发生学分相反 13 使用Genotator注释序列数据 14 低价位的凝胶分析系统第三部分 网络信息资源 15 供临床遗传学者和分子遗传学者使用的计算机资源 16 NCBI网页上的公用工具和资源 17 EBI上的资源 18 计算机辅助分析转录调控区域：Matinspector和其他程序 19 计算机辅助的基因鉴定 20 万维网上适用于一般用户和生物学工作者的Primer 3程序 21 利用万维网装备分子生物学实验室第四部分 计算机和分子生物学：信息发布与限制 22 网络计算 23 利用DNA进行计算 24 检测生物模式：整合数据库、模型和算法第五部分 生物信息学教学与最新文献跟踪 25 分子生物学和遗传学的计算机应用入门课程的设计与实施 26 虚拟图书馆I：MEDLINE搜索 27 虚拟图书馆II：科学引文索引和更新通告服务 28 虚拟图书馆III：电子期刊、赠款、基金资助信息

<<生物信息学方法指南>>

媒体关注与评论

基于各种平台的常用序列分析软件包，如GCG、OMIGA、DNASTAR等。

第2篇介绍了常用分子生物学软件的功能和使用方法。

第3篇介绍了如何使用网络上的分子生物学信息资源。

第4篇介绍了分子生物学信息通过计算机在网络上发布极其限制。

第5篇介绍了分子生物信息学课程设置和教学安排及虚拟图书馆提供的文献检索功能和使用方法。

版权说明

本站所提供下载的PDF图书仅提供预览和简介，请支持正版图书。

更多资源请访问:<http://www.tushu007.com>